

	9	18	27	36	45	54
5'	GG GGA AGC AGC TGG AGT GCG ACC GCC ACG GCA GCC ACC CTG CAA CCG CCA GTC					
	63	72	81	90	99	108
	GGA GGT GCA GTC CGT AGG CCC TGG CCC CCG GGT GGG CCC TTT GGG AGT CGG CGC					
	117	126	135	144	153	162
	CGC TCC CGA GGA GCT GCA AGG CTC GCC CCT GCC CGG CGT GGA GGG CGC GGG GGG					
	171	180	189	198	207	216
	CGC GGA GAA AGT GAA GAG AGG AAA TTG GAA AAT TGT GAG TGG ACC TTC TGA TAC					
	225	234	243	252	261	270
	TGC TCC TTG CGT GGA AAA GGG GAA AGA ACT GCA TGC ATA TTA TTC AGC GTC					
	279	288	297	306	315	324
	C ^{TA} TAT TCA AAG GAT ATT CTT GGT GAT CTT GGA AGT GTC CGT ATC ATG GAA TCA					
	333	342	351	360	369	378
	ATC TCT ATG ATG GGA AGC CCT AAG AGC CTT AGT GAA ACT TGT TTA CCT AAT GGC					
	I S M M G S P K S L S E T C L P N G					
				M E S		

FIGURE 1A

ATA GAT GGT ATC AAA GAT GCA AGG AAG GTC ACT GTA GGT GTG ATT GGA AGT GGA

387		396		405		414		423		432							
ATA	AAT	GGT	ATC	AAA	GAT	GCA	AGG	AAG	GTC	ACT	GTA	GGT	GTG	ATT	GGA	AGT	GGA
I	N	G	I	K	D	A	R	K	V	T	V	G	V	I	G	S	G
441		450		459		468		477		486							
GAT	TTT	GCC	AAA	TCC	TTG	ACC	ATT	CGA	CTT	ATT	AGA	TGC	GGC	TAT	CAT	GTG	GTC
D	F	A	K	S	L	T	I	R	L	I	R	C	G	Y	H	V	V
495		504		513		522		531		540							
ATA	GGA	AGT	AGA	AAT	CCT	AAG	TTT	GCT	TCT	GAA	TTT	CTT	CCT	CAT	GTG	GTA	GAT
I	G	S	R	N	P	K	F	A	S	E	F	F	P	H	V	V	D
549		558		567		576		585		594							
GTC	ACT	CAT	GAA	GAT	GCT	CTC	ACA	AAA	ACA	AAT	ATA	ATA	TTT	GTT	GCT	ATA	
V	T	H	H	E	D	A	L	T	K	T	N	I	I	F	V	A	I
603		612		621		630		639		648							
CAC	AGA	GAA	CAT	TAT	ACC	TCC	CTG	TGG	GAC	CTG	AGA	CAT	CTG	CTT	GTG	GGT	AAA
H	R	E	H	Y	T	S	L	W	D	L	R	H	L	L	V	G	K

FIGURE 1B

AAC	CTG	ATT	GAT	GTG	AGC	AAT	AAC	ATG	AGG	ATA	AAC	CAG	TAC	CCA	GAA	TCC	AAT
I	L	I	D	V	S	N	N	M	R	I	N	Q	Y	P	E	S	N
GCT	GAA	TAT	TTG	GCT	TCA	TTA	TTC	CCA	GAT	TCT	TTG	ATT	GTC	AAA	GGA	TTT	AAT
A	E	Y	L	A	S	L	F	P	D	S	L	I	V	K	G	F	N
GTT	GTC	TCA	GCT	TGG	GCA	CTT	CAG	TTA	GGA	CCT	AAG	GAT	GCC	AGC	CGG	CAG	GTT
V	V	S	A	W	A	L	Q	L	G	P	K	D	A	S	R	Q	V
TAT	ATA	TGC	AGC	AAC	AAT	ATT	CAA	GCG	CGA	CAA	CAG	GTT	ATT	GAA	CTT	GCC	CCG
Y	I	C	S	N	N	I	Q	A	R	Q	Q	V	I	E	L	A	R
CAG	TTG	AAT	TTC	ATT	CCC	ATT	GAC	TTC	GGA	TCC	TTA	TCA	TCA	GCC	AGA	GAG	ATT
Q	L	N	F	I	P	I	D	L	G	S	L	S	S	A	R	E	I

FIGURE 1C

GAA	AAT	TTA	CCC	CTA	CGA	CTC	TTT	ACT	CTC	TGG	AGA	GGG	CCA	GTG	GTG	GTA	GCT
E	N	L	P	L	R	L	F	T	L	W	R	G	P	V	V	V	A
927			936			945			954					963			972
ATA	AGC	TTG	GCC	ACA	TTT	TTT	TTC	CTT	TAT	TCC	TTT	GTC	AGA	GAT	GTG	ATT	CAT
I	S	L	A	T	F	F	F	L	Y	S	F	V	R	D	V	I	H
1035			1044			1053			1062			1062		1071			1080
CCA	TAT	GCT	AGA	AAC	CAA	CAG	AGT	GAC	TTT	TAC	AAA	ATT	CCT	ATA	GAG	ATT	GTG
P	Y	A	R	N	Q	Q	S	D	F	Y	K	I	P	I	E	I	V
1089			1098			1107			1116			1116		1125			1134
AAT	AAA	ACC	TTA	CCT	ATA	GTT	GCC	ATT	ACT	TTG	CTC	TCC	CTA	GTA	TAC	CTC	GCA
N	K	T	L	P	I	V	A	I	T	L	L	S	L	V	Y	L	A
1143			1152			1161			1170			1170		1179			1188
GGT	CTT	CTG	GCA	GCT	GCT	TAT	CAA	CTT	TAT	TAC	GGC	ACC	AAG	TAT	AGG	AGA	TTT
G	L	L	A	A	A	Y	Q	L	Y	Y	G	T	K	Y	R	R	F

FIGURE 1D

CCA	CCT	TGG	TTC	GAA	ACC	TGG	TTA	CAG	TGT	AGA	AAA	CAG	CCT	GGA	TTA	CTA	AGT
P	P	W	L	E	T	W	L	Q	C	R	K	Q	L	G	L	L	S
1197	1206	1215	1224	1225	1224	1225	1226	1227	1228	1227	1228	1229	1233	1233	1242	1242	1242
TTT	TTC	TTC	GCT	ATG	GTC	CAT	GTC	TAC	AGC	CTC	TGC	TTA	CCG	ATG	AGA	AGG	AGG
F	F	A	M	V	H	V	A	Y	S	L	C	L	P	M	R	R	R
1251	1260	1269	1278	1278	1278	1278	1278	1278	1278	1278	1278	1287	1287	1296	1296	1296	1296
TCA	GAG	AGA	TAT	TTG	TTT	CTC	AAC	ATG	GCT	TAT	CAG	CAG	GTT	CAT	GCA	AAT	ATT
S	E	R	Y	L	F	L	N	M	A	Y	Q	Q	V	H	A	N	I
1305	1314	1323	1323	1323	1323	1323	1323	1323	1323	1323	1323	1332	1332	1341	1341	1350	1350
GAA	AAC	TCT	TGG	AAT	GAG	GAA	GAA	GTT	TGG	AGA	ATT	GAA	ATG	TAT	ATC	TCC	TCC
E	N	S	W	N	E	E	E	V	W	R	I	E	M	Y	I	S	F
1359	1368	1377	1377	1377	1377	1377	1377	1377	1377	1377	1377	1386	1386	1395	1395	1404	1404
GGC	ATA	ATG	AGC	CTT	GGC	TTA	CTT	TCC	CTC	CTG	GCA	GTC	ACT	TCT	ATC	TCC	TCC
G	I	M	S	L	G	L	L	S	L	L	A	V	T	S	I	P	S
1413	1422	1431	1440	1440	1440	1440	1440	1440	1440	1440	1440	1449	1449	1458	1458	1458	1458

FIGURE 1E

卷之三

FIGURE 1F

...R...G...C...T...A...G...C...T...G...A...T...G...C...G...A...T...G...T...A...G...C...A...G...T...A

	1737	1746	1755	1764	1773	1782											
GAA	GAA	GGT	ATT	GGA	GCA	ATC	CCT	CAT	GTC	TCC	CCG	GAG	AGG	GTC	ACA	GTA	
E	E	G	I	G	T	I	P	H	V	S	P	E	R	V	T	V	
	1791	1800	1809	1818	1827	1836											
ATG	TGA	TAA	ATG	GTG	TTC	ACA	GCT	GCC	ATA	TAA	AGT	TCT	ACT	CAT	GCC	ATT	
M	1845	1854	1863	1872	1881	1890											
ATT	TTT	ATG	ACT	TCT	ACG	TTC	AGT	TAC	AAG	TAT	GCT	GTC	AAA	TTA	TCG	TGG	GTT
GA 3'																	

FIGURE 1G

1	M E S I S M M G S P K S L S E T C L P N G I N G I K D A R K 1 M E S - R K	7492448 g6572948
31	V T V G V I G S G D F A K S L T I R L I R C G Y H V V I G S 6 - R K	7492448 g6572948
61	R N P K F A S E F F P H V V D V T H H E D A L T K T N I I F 6 - R K	7492448 g6572948
91	V A I H R E H Y T S L W D L R H L L V G K I L I D V S N N M 13 - R R N L	7492448 g6572948
121	R I N Q Y P E S N A E Y L A S S L F P D S L I V K G F N V V S 23 E E D D Y L H K D T G - E T S M L K R P V L - - - - - - - - - - - - - - - - - R R N L	7492448 g6572948
151	A W A L Q L G P K D A S R Q V Y I C S N N I Q A R Q Q V I E 44 - - - L H L - H Q T A H A D E F D C P S E L Q H T Q E - - - - - - - - - - - R R N L	7492448 g6572948
181	L A R Q L N F I P I D L G S L S S A R E I E N L P L R L F T 67 - R R N L	7492448 g6572948
211	L W R G P V V V A I S L A T F F F L Y S F V R D V I H P Y A 70 Q W H L P I K I A A I I A S L T F L Y T L L R E V I H P L A	7492448 g6572948

FIGURE 2A

241 R N Q Q S D F Y K I P I E I V N K T L P I V A I T L L S L V 7492448
100 T S H Q Q Y F Y K I P I L V I N K V L P M V S I T L L A L V g6572948

271 Y L A G L L A A Y Q L Y Y G T K Y R R F P P W L E T W L Q 7492448
130 Y L P G V I A A I V Q L H N G T K Y K K F P H W L D K W M L g6572948

301 C R K Q L G L L S F F F A M V H V A Y S L C L P M R R S E R 7492448
160 T R K Q F G L L S F F F A V L H A I Y S L S Y P M R R S Y R g6572948

331 Y L F L N M A Y Q Q V H A N I E N S W N E E V W R I E M Y 7492448
190 Y K L L N W A Y Q Q V Q Q N K E D A W I E H D V W R M E I Y g6572948

361 I S E G I M S L G L L S L L A V T S I P S V S N A L N W R E 7492448
220 V S L G I V G L A I L A L V T S I P S V S D S L T W R E g6572948

391 F S F I Q S T L G Y V A L L I S T F H V L I Y G W K R A F E 7492448
250 F H Y I Q S K L G I V S L L L G T I H A L I F A W N K W I D g6572948

421 E E Y Y R F Y T P P N F V L P S I V I L G K I I L F 7492448
280 I K Q F V W Y T P P T F M I A V F L P I V V L I F K S I L F g6572948

FIGURE 2B

451 L P C I S R K L K R I K K G W E K S Q F L E G I G G T I P 7492448
310 L P C L R K K I L K I R H G W E D - - - - - - - - - - - V T g6572948

481 H V S P E R V - T V M
329 K I N K T E I C S Q L

FIGURE 2C